

Demande d'analyse pour la tuberculose et les infections mycobactériennes

Identification du laboratoire qui envoie la demande

Nom du responsable :

Nom du laboratoire :

Nom de l'hôpital :

Adresse : CP, Localité :

Tél. : Fax :

Renseignements concernant le patient

Nom, Prénom : Date de naissance : Sexe : M F

Adresse : CP, Localité :

Nationalité : Pays d'origine : Profession:

N° de mutuelle : Statut : hospitalisé ambulatoire Statut HIV :

Antécédents de tuberculose : oui non Site TB : En traitement : oui non

Médecin prescripteur

Nom, Prénom : N° INAMI:

Code postal : Tél.

Renseignements concernant l'envoi

N° de référence:

Culture de mycobactéries

Nature : Milieu solide : Löwenstein-Jensen Ogawa Coletso autre :

Milieu liquide : Bactec MGIT MB/Bact Bactec 9000 autre :

Date d'ensemencement : Date de positivité :

Prélèvement d'origine ayant donné la culture positive :

Nature du prélèvement : Date du prélèvement :

Résultat de l'examen microscopique : positif négatif non effectué

Résultat biologie moléculaire : positif négatif non effectué

ADN extrait d'un prélèvement clinique

Nature du prélèvement:..... Date du prélèvement :

Résultat de l'examen microscopique : positif négatif non effectué

Résultat biologie moléculaire : positif négatif non effectué

Echantillon respiratoire pour GeneXpert

Nature du prélèvement: Date du prélèvement :

Tubes de sang pour diagnostic d'infection tuberculeuse latente pas test IGRA

Date du prélèvement : Heure de prélèvement :

Réalisation de l'incubation : oui non Si oui : Date et heure de début :

Date et heure de fin :

Demande d'analyse pour la tuberculose et les infections mycobactériennes

Analyse(s) demandée(s) à l'ISP

<i>Analyse diagnostique</i>	<i>Analyse pour le CNR</i>
Analyse(s) demandée(s) sur culture de mycobactéries :	
<input type="checkbox"/> Identification <input type="checkbox"/> Identification + antibiogramme	<input type="checkbox"/> Confirmation d'identification → Espèce déjà identifiée : → Technique utilisée : <input type="checkbox"/> Distinction entre les espèces du complexe <i>M. tuberculosis</i>
<input type="checkbox"/> Antibiogramme seul → Mycobactérie identifiée :	<input type="checkbox"/> Antibiogramme → Résultat déjà obtenu : → Technique utilisée :
	<input type="checkbox"/> Résistance moléculaire à la rifampicine <input type="checkbox"/> Résistance moléculaire à l'isoniazide <input type="checkbox"/> Empreinte génétique → Comparer à l'isolat de
Analyse(s) demandée(s) sur ADN extrait d'un prélèvement clinique :	
<input type="checkbox"/> Recherche et Identification ADN	<input type="checkbox"/> Mutations associées à la résistance à la rifampicine <input type="checkbox"/> Mutations associées à la résistance à l'isoniazide <input type="checkbox"/> Mutations associées à la résistance aux antituberculeux de 2 ^{ème} ligne (uniquement en cas de MDR prouvé)
Analyse(s) demandée(s) sur échantillon respiratoire :	
	<input type="checkbox"/> GeneXpert (analyse prise en charge par Belta-TBnet)
Analyse(s) demandée(s) sur échantillon de sang :	
<input type="checkbox"/> test IGRA : QuantiFERON (merci de prévenir le laboratoire) <input type="checkbox"/> test IGRA : T-SPOT.TB (merci de prévenir le laboratoire)	

Date : Signature du biologiste :